

PROGRAM

IX. OGÓLNOPOLSKIEGO SYMPOZJUM MIKROBIOLOGICZNEGO

„METAGENOMY RÓŻNYCH ŚRODOWISK”

UMCS, Lublin, 23 – 24 czerwca 2025 roku

Miejsce obrad: Budynek Instytutu Informatyki UMCS, Lublin, ul. Akademicka 9, Aula D105

Dzień Pierwszy – 23.06.2025 r. (poniedziałek)	
8:00 – 9:00	Rejestracja uczestników konferencji i Kawa powitalna Budynek Instytutu Informatyki UMCS, Lublin, ul. Akademicka 9, Aula D105
	SESJA INAUGURACYJNA
9:00 – 9:30	UROCZYSTE OTWARCIE SYMPOZJUM Przywitanie gości przez organizatorów i przedstawicieli Patronów Honorowych i Naukowych, władz Polskiego Towarzystwa Mikrobiologów, Uniwersytetu Marii Curie-Skłodowskiej w Lublinie, Wydziału Biologii i Biotechnologii UMCS i władz jednostek współorganizatorów a także przedstawicieli władz Miasta i Województwa
	WYKŁADY SESJI INAUGURACYJNEJ Moderatorzy prowadzący sesję: prof. dr hab. Stefan Tyski; prof. dr hab. Zofia Piotrowska-Seget; prof. dr hab. Adam Choma
9:30 – 10:10	WYKŁAD INAUGURACYJNY I prof. dr hab. Dariusz Bartosik, Uniwersytet Warszawski „The sound of silence...”
10:10 – 10:50	WYKŁAD INAUGURACYJNY II Prof. dr Jaco Vangronsveld, Hasselt University, Belgia “The seed microbiome: its complexity, significance in plant life and possible applications”
10:50 – 11:15	Przerwa kawowa
	SESJA I Prokariotyczny mikrobiom różnych środowisk Moderatorzy prowadzący sesję: prof. dr hab. Magdalena Frąc; prof. dr hab. Monika Janczarek; dr Karolina Furtak
11:15 – 11:45	WYKŁAD PLENARNY I „Wykład realizowany przy wsparciu finansowym Gminy Lublin, w ramach Programu Visiting Professors in Lublin” Prof. dr Heribert Insam, University of Innsbruck “Microbes, climate and society” 
11:45 – 12:00	Referat 1 Dr Sławomir Sułowicz, Krzysztof Zawierucha, Anna Markowicz, Krystyna Koziół, Wiktoria Zientak, Adam Nawrot, Krzesimir Tomaszewski, Bartłomiej Luks, Catherine Larose, Uniwersytet Śląski w Katowicach: „ Różnorodność mikrobiologiczna pokrywy śnieżnej na Spitsbergenie ” (Microbial diversity of the snowpack in Spitsbergen)
12:00 –	Referat 2

12:15	Dr Marta Potrykus , Monika Kurpas, Grażyna Gałązkowska, Uniwersytet Gdański: „ Wpływ zanieczyszczeń chemicznych na mikrobiotę piasku plaż morza Bałtyckiego ” (Chemical contamination influence on beach sand microbiota)
12:15 – 12:30	Referat 3 – uczestnik konkursu dla młodych naukowców Lic. Daria Kaim , Franco Magurno, Izabela Potocka, Zofia Piotrowska-Seget, Piotr Siupka Uniwersytet Śląski w Katowicach: „ Porównanie struktury bakteriobiomów osadów dennych zbiorników wodnych o różnym stopniu zanieczyszczenia na terenie Górnego Śląska ” (Comparative analysis of bacteriobiome structures in bottom sediments of water reservoirs with varying pollution levels in Upper Silesia)
12:30 – 12:45	Referat 4 Dr Piotr Siupka , Adam Nadudvari, Ian Marshall, Tomasz Krzykowski, Hakim Rabia, Agnieszka Bylina, Leszek Marynowski, Zofia Piotrowska-Seget, Uniwersytet Śląski w Katowicach: „ Mikroorganizmy na krawędzi limitów życia: „Wgląd w mikrobiom termicznie aktywnych hałd pogórnich” ” (Microorganisms at the limits of life: Insights into microbiome of thermally active coal waste dumps)
12:45 – 13:00	Referat 5 Dr Małgorzata Pawlik , Kinga Bondarczuk, Magdalena Noszczyńska, Alicja Cwajna, Zofia Piotrowska-Seget, Uniwersytet Śląski w Katowicach: „ Analiza genomów bakterii endofitycznych opornych na Cd i ich wpływ na morfologię korzeni pomidorów ” (Genome analysis of Cd-resistant endophytic bacteria and their impact on tomato root morphology)
13.00 – 13.15	Dyskusja
13:15 – 14:15	PRZERWA OBIADOWA HOTEL MERCURE, Aleje Racławickie 12, Lublin, ok. 200 m od miejsca obrad
14:15 – 15:00	SESJA POSTEROWA (<i>postery będą dostępne przez cały czas trwania konferencji</i>)
	SESJA II Eukariotyczny mikrobiom różnych środowisk Moderatorzy prowadzący sesję: prof. dr hab. Joanna Kruszewska; dr hab. Magdalena Szczech, prof. Instytutu; dr hab. Grzegorz Janusz, prof. UMCS
15:00 – 15:30	WYKŁAD PLENARNY II Prof. dr hab. inż. Małgorzata Jędrzycka, IGR Poznań: „Metagenomy w systemach wspierania decyzji w ochronie roślin” (Metagenomes in decision support systems for plant protection)
15:30 – 15:50	WYKŁAD NA ZAPROSZENIE Anna Pikulicka, Prof. dr hab. Wiesław Barabasz , Państwowa Akademia Nauk Stosowanych w Przemyśle: „ mikro-RNA małe cząsteczki o wielkim znaczeniu ” (micro-RNA small molecules of great importance)
15:50 - 16:10	WYKŁAD NA ZAPROSZENIE Dr hab. Lidia Błaszczyk , Instytut Genetyki Roślin PAN: „ Udział microRNA w wielokierunkowej interakcji roślin pszenicy z grzybami <i>Fusarium</i> i <i>Trichoderma</i> - obserwacje wstępne ” (Involvement of microRNA in the multidirectional interaction of wheat plants with <i>Fusarium</i> and <i>Trichoderma</i> fungi –preliminary observations)

16:10 – 16:30	WYKŁAD NA ZAPROSZENIE Dr hab. Sylwia Różalska, prof. UŁ: Uniwersytet Łódzki, „ Rola metabolitów wtórnych w ekologii grzybów entomopatogennych ” (The role of secondary metabolites in the ecology of entomopathogenic fungi)
16:30 – 16:45	Referat 6 – uczestnik konkursu dla młodych naukowców Mgr Joanna Ziętra-Wysocka, Paulina Niedźwiedzka-Rystwej, Instytut Biologii Uniwersytetu Szczecińskiego: „ Analiza wpływu korzenia cykorii na mikrobiotę jelit królików w oparciu o technikę sekwencjonowania ” (Analysis of the effect of chicory root on the gut microbiota of rabbits based on sequencing techniques)
16:45 – 17:00	Referat 7 – uczestnik konkursu dla młodych naukowców Mgr Jakub Kuncewicz, mgr Maksymilian Chmielewski, Władysław Polocyn, Uniwersytet im. Adama Mickiewicza: „ Pułapki w interpretacji sieci współwystępowania drobnoustrojów ” (Interpretation of microbiome network clusters as functional groups)
17:00 – 17:10	Prezentacja firmy 3GENES (sponsor konferencji)
17:10 – 17:20	Dyskusja
19:00	UROCZYSTA KOLACJA HOTEL MERCURE, Aleje Racławickie 12, Lublin, ok. 200 m od miejsca obrad
Dzień Drugi – 24.06.2025 r. (wtorek)	
8:30 – 9:00	Kawa Powitalna Budynek Instytutu Informatyki UMCS, Lublin, ul. Akademicka 9, Aula D105
	Sesja III Metagenomy środowiska glebowego i ich zastosowanie w biotechnologii część 1: Metagenomy ryzosfery roślin i ich kształtowanie przez interakcje mikrobioty Moderatorzy prowadzący sesję: dr hab. Andrzej Mazur, prof. UMCS; dr hab. Małgorzata Marczak, prof. UMCS; dr hab. Karolina Oszust, prof. Instytutu
9:00 – 9:30	WYKŁAD PLENARNY III Prof. dr Alessio Mengoni University of Florence: “When biodiversity meets biotechnologies: deciphering symbiotic nitrogen fixing rhizobia genotype x genotype interaction in the plant microbiome”
	REFERATY
9:30 – 9:45	Referat 8 — uczestnik konkursu dla młodych naukowców Mgr Klaudia Peczyk, Monika Malicka, Piotr Siupka, Franco Magurno, Zofia Piotrowska-Seget Uniwersytet Śląski w Katowicach: „ Odkrywanie potencjału bakterii wspomagających rozwój mykoryz: analiza genomów i zastosowanie do wspomagania wzrostu roślin w podłożu skażonym WWA ” (Decoding the potential of mycorrhiza helper bacteria: genomic insights and application for plant growth support in PAH-contaminated substrates)
9:45 – 10:00	Referat 9 – uczestnik konkursu dla młodych naukowców Dr Weronika Babińska-Wensierska, Sandra Kobierska, Agata Motyka-Poagruk,

	Ewa Łojkowska, Uniwersytet Gdański: „ Rola mikrobioty glebowej w rozwoju objawów chorobowych czarnej nóżki i mokrej zgnilizny ziemniaka - identyfikacja naturalnego antagonisty <i>Paenibacillus</i> sp. ” (The role of soil microbiota in the development of blackleg and soft rot symptoms in potato – identification of a natural antagonist bacteria from the genus <i>Paenibacillus</i> sp.)
10:00 – 10:15	Referat 10 Dr hab. Dorota M. Krzyżanowska , Marcin Borowicz, Marta Sobolewska, Robert Czajkowski, Uniwersytet Gdański: „ Tailocyny jako precyzyjna broń w rywalizacji między bakteriami - model patogenów roślin z rodziny Pectobacteriaceae ” (Tailocins as precision weapons in bacterial competition: a model based on plant pathogens from the Pectobacteriaceae family)
10:15 – 10:30	Dyskusja
10:30 – 11:00	Przerwa kawowa
	Sesja III Metagenomy środowiska glebowego i ich zastosowanie w biotechnologii część 2: Metagenomy oraz czynniki biotyczne i abiotyczne w kształtowaniu agroekosystemów Moderatorzy prowadzący sesję: prof. dr hab. Jadwiga Wyszowska, prof. dr hab. Jan Kucharski; dr Anna Marzec-Grządział
11:00 – 11:30	WYKŁAD PLENARNY IV Prof. dr Adriano Sofo, University of Basilicata, Italy “Interactions between microorganisms and plants in agroecosystems differentially managed: effects on soil health and crop production”
11:30 – 11:45	Referat 11 Dr Agnieszka Domka , Maciej Gustab, Roman Jędrzejczyk, Rafał Ważny, Weronika Kosowicz, Piotr Rozpądek, Małopolskie Centrum Biotechnologii Uniwersytetu Jagiellońskiego: „ Interakcje roślin z mikroorganizmami i ich konsekwencje dla adaptacji roślin do środowiska ” (Interactions between host plants and microbial communities: implications for environmental adaptation)
11:45 – 12:00	Referat 12 — uczestnik konkursu dla młodych naukowców Mgr Adam Furtak , Anna Szafranek-Nakoneczna, Anna Pytlak Instytut Agrofizyki im. Bohdana Dobrzańskiego PAN: „ Wróg czy przyjaciel – reakcja społeczności bakterii metanotroficznych występujących w glebach rolniczych na gilosat ” (Friend or foe - the reaction of methanotrophic communities of agricultural soils to glyphosate)
12:00 – 12:15	Referat 13 Dr Sławomir Borymski , Wiktoria Paliga, Anna Markowicz, Krzysztof Sitko, Sławomir Sułowicz Uniwersytet Śląski: „ Bioróżnorodność zespołów mikroorganizmów ryzosferowych w kontekście akumulacji cynku przez metalofity z rodzaju <i>Arabidopsis</i> w glebie skażonej nanocząstkami ZnO ” (Biodiversity of rhizosphere microbial communities in the context of zinc accumulation by <i>Arabidopsis</i> metallophytes in soil contaminated with ZnO nanoparticles)
12:15 – 12:30	Referat 14 – uczestnik konkursu dla młodych naukowców Mgr Aleksandra Karpińska , Marcin Borowicz, Dorota M. Krzyżanowska, Sylwia Jafra, Uniwersytet Gdański: „ Zastosowanie metod biologii molekularnej w

	badaniu mechanizmów adhezji u bakterii z rodzaju <i>Ochrobactrum</i> (Application of molecular biology methods in studying adhesion mechanisms in <i>Ochrobactrum</i> spp.)
12:30 – 12:45	Dyskusja
12:45 – 14:00	PRZERWA OBIADOWA HOTEL MERCURE, Aleje Racławickie 12, Lublin, ok. 200 m od miejsca obrad
	Sesja IV Metagenomika aplikacyjna, metabolomika, proteomika i ich znaczenie w monitoringu jakości środowiska i zdrowia człowieka Moderatorzy prowadzący sesję: prof. dr hab. Izabela Korona-Głowniak; dr hab. Agnieszka E. Laudy, dr Monika Jach
14:00 – 14:30	WYKŁAD PLENARNY V Prof. dr François Rineau, Nier Su, Mwahija Zubery, Wouter Reyns, Maria Moreno-Druet, Nadia Soudzilovskaia U. Hasselt: “Exploring microbial shifts under climate change simulation”
	REFERATY
14:30 – 14:45	Referat 15 Dr hab. Agnieszka Kuźniar, Anna Kruczyńska, Angelika Kliszc, Weronika Goraj, Artur Banach, Tomasz Lenard, Marcin Skowronek, Anna Sochaczewska, Agnieszka, Podlewski Jacek, Słomczewski Andrzej, Wolińska, Rafał Łopucki, Katolicki Uniwersytet Lubelski: „Zintegrowany metabarcoding środowiskowy w badaniach bioróżnorodności mikroorganizmów” (Interactive environmental metabarcoding in microbial biodiversity Research)
14:45 – 15:00	Referat 16 Dr hab. Ewa Oleńska, Wanda Małek, Anna Gałązka, Małgorzata Woźniak, S. Thijs, Małgorzata Wójcik, Jaco Vangronsveld, Uniwersytet w Białymstoku: „Mikrobiom bakteryjny koniczyny białej (<i>Trifolium repens</i> L.) rosnącej na 130-letniej hałdzie Zn-Pb-Cd w południowej Polsce” (Bacterial microbiome of white clover (<i>Trifolium repens</i> L.) growing on the 130-yr-old Zn-Pb-Cd waste heap in southern Poland)
15:00 – 15:15	Referat 17 – uczestnik konkursu dla młodych naukowców Mgr Paula Rożen, Francesc Coll, Karol Makuch, Marta Zapotoczna, Uniwersytet Warszawski: „Czynniki genetyczne warunkujące adhezję <i>Staphylococcus aureus</i> do fibrynogenu i fibrynektyny oraz powiązania między tymi fenotypami a objawami u pacjentów” (Genetic determinants of <i>Staphylococcus aureus</i> adhesiveness to fibrinogen and fibronectin and associations between these phenotypes and patients’ manifestation)
15:15 – 15:30	Referat 18 – uczestnik konkursu dla młodych naukowców Mgr Aleksandra Horbowicz-Teresińska, Martyna Moryl, Małgorzata Marczak, Uniwersytet Marii Curie-Skłodowskiej: „Trzy enzymy - dwie reakcje: analizy funkcjonalne trzech glikozylotransferaz w kontekście biosyntezy złożonego egzopolisacharydy rizobiów” (Three enzymes – two reactions: functional analyses of three glycosyltransferases in the context of complex rhizobial exopolysaccharide biosynthesis)
15:30 – 15:45	Dyskusja
15:45 –	Przerwa kawowa

16:05	i techniczna (narada Komisji Konkursowych oceniających referaty i postery młodych naukowców)
16.05 – 16:25	WYKŁAD PODSUMOWUJĄCY Prof. dr hab. Adam Jaworski: „Metagenom ludzkiej populacji” (Human population metagenome)
16:25 – 17:00	WRĘCZENIE NAGRÓD, PODSUMOWANIE I ZAKOŃCZENIE KONFERENCJI